

Tema propuesto	Modelo experimental (e): rata, comunidades, Arabidopsis, datos teóricos)	Apellido y Nombre del Director	Laboratorio	Departamento	Instituto	Tipo de tareas propuestas:	Email de Contacto	Página web con mayor información del laboratorio
COMUNIDADES DE AVES DE BOSQUES BAJO DIFERENTES MANEJOS GANADEROS EN EL CHACO ARGENTINO.	Se analizó la asociación de diferentes manejos ganaderos sobre la estructura de la vegetación del sotobosque, la riqueza, composición y abundancia de los ensamblajes de aves de bosques en la ecorregión del Chaco Argentino. Se realizaron conteos de aves en 80 estaciones de conteo, 20 de las cuales fueron ubicadas en cada uno de los siguientes tratamientos bajo manejo ganadero: 1) Bosque con clausura de más de 50 años (Clausura); 2) Bosque con pastoreo continuo (Continuo); 3) Bosque con pastoreo relativo invernal (Invernal); 4) Bosque con pastoreo relativo (Vesón).	MARIANO CODESIDO	GRUPO DE ESTUDIOS SOBRE BIODIVERSIDAD EN AGROECOSISTEMAS	DBBE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	mcodesido@ege.fcen.uba.ar	http://www.ege.fcen.uba.ar/investigacion/grupo-de-estudios-sobre-biodiversidad-en-agroecosistemas-gaba/
Ensamblajes de aves en diferentes sistemas de manejo ganadero en la Pampa Deprimida	Analizar y comparar el desempeño de diferentes prácticas de manejo ganadero tradicionales y alternativas, evaluando las respuestas de los ensamblajes de aves terrestres, en particular de las aves de pastizal	Mariano Codesido	Grupo de Estudios sobre Biodiversidad en Agroecosistemas	DBBE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	mcodesido@ege.fcen.uba.ar	http://www.ege.fcen.uba.ar/investigacion/grupo-de-estudios-sobre-biodiversidad-en-agroecosistemas-gaba/
Estudio de la variación en rasgos florales, reproductivos y ambientales asociados a la gineceoecología funcional en poblaciones de Opuntia quinque (Cactaceae).	Opuntia quinque (Cactaceae) es una especie gineceoecológica (co-ocurrencia de plantas con flores perfectas y pistiladas en la misma población). Se estimará la eficacia reproductiva y se analizarán los patrones de variación interpoblacional y entre morfos florales para los caracteres florales y vegetativos. Se estudiará el ajuste de los resultados obtenidos a las variables ambientales con el objeto de evaluar si existe correlato entre alguno de estos parámetros estudiados y la variación en la frecuencia de plantas con flores perfectas y con flores pistiladas.	Julieta Nattero	Laboratorio de Sistemática y Biología Reproductiva de Plantas Vasculares	DBBE-FCEN-UBA	INMIBO	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	julietanattero@gmail.com	
Biodiversidad y cultivo de Agaricales	Hongos Agaricales de la Reserva los Robles	Lechner, Bernardo	7	DBBE-FCEN-UBA	INMIBO	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	martinez.agustinp@gmail.com	http://www.inmibo.exactas.uba.ar/laboratorio-de-hongos-agaricales.html
Estudios de gaiting en acuaporinas membranales	El modelo de estudio son las acuaporinas (animales, vegetales y bacterias) expresadas en oocitos de xenopus. En el grupo desarrollamos modelos matemáticos de regulación mecánica de las acuaporinas y los contrastamos con los resultados experimentales mediante simulación computacional.	Ozu, Marcelo	Laboratorio de Relaciones Hídricas en Plantas Acuaporinas	DBBE-FCEN-UBA	IBBEA	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	ozu.marcelo@gmail.com	http://bbea.fcen.uba.ar/investigacion/midjodjamelar/tema-130908-en-parlas-acuaporinas/
Desarrollo de un software para análisis de imágenes de oocitos de Xenopus laevis para estudiar la función de acuaporinas vegetales	Oocitos de Xenopus laevis	Galizia, Luciano	Laboratorio de Relaciones Hídricas y acuaporinas	DBBE-FCEN-UBA	IBBEA	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	lgalizia@gmail.com	http://bbea.fcen.uba.ar/79-307
Estudio de la variación en rasgos florales, reproductivos y ambientales asociados a la gineceoecología funcional en poblaciones de Opuntia quinque (Cactaceae)	Opuntia quinque (Cactaceae) es una especie gineceoecológica (co-ocurrencia de plantas con flores perfectas y pistiladas en la misma población). Se estimará la eficacia reproductiva y se analizarán los patrones de variación interpoblacional y entre morfos florales para los caracteres florales y vegetativos. Se estudiará el ajuste de los resultados obtenidos a las variables ambientales con el objeto de evaluar si existe correlato entre alguno de estos parámetros estudiados y la variación en la frecuencia de plantas con flores perfectas y con flores pistiladas.	Nattero, Julieta y Picca, Pablo	Laboratorio de Sistemática y Biología Reproductiva de Plantas Vasculares	DBBE-FCEN-UBA	INMIBO	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	julietanattero@gmail.com	
Diversidad microbiana del océano	Plancton marino	Flombaum Pedro	CIMA	DEGE-FCEN-UBA		elaboración de meta-análisis a partir de datos publicados	pflombaum@ege.fcen.uba.ar	https://ites.google.com/site/flombaumpedro-flombaum
Estructura morfológica y genética de poblaciones de Triatoma infestans (vinchuca)	Triatoma infestans (vinchuca)	Piccini Romina / Carbajal de la Fuente Ana Laura	Eco-epidemiología	DEGE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	picci@ege.fcen.uba.ar	
Análisis de la sobrevivencia y el desarrollo en condiciones térmicas semiaturales a lo largo de climas altitudinales del Noroeste de Argentina	Drosophila	Sambucetti Pablo	GERES	DEGE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	pabiosambucetti@ege.fcen.uba.ar	
Estudio de la capacidad dispersiva de Triatoma guayanaensis (Hemiptera, Reduviidae, Triatominae) asociado a cambios morfológicos en las alas y la cabeza	Triatoma guayanaensis (Hemiptera, Reduviidae, Triatominae) es un vector secundario de la Enfermedad de Chagas. La mayoría de las especies de triatominae, presentan sus alas pares de alas totalmente desarrolladas. Sin embargo, un fenómeno poco frecuente ha sido reportado en Bolivia, donde existen poblaciones con alas braquipleras (cortas). Estudios recientes mostraron una asociación entre braquipleridad y cambios morfológicos de las cabezas. Se pretende estudiar, para diferentes poblaciones dentro del área de distribución de esta especie (Argentina, Bolivia y Paraguay), cómo es la relación entre la morfometría alar y la variación en otros caracteres, particularmente la cabeza y su posible relación con la capacidad dispersiva que presenta esta especie.	Nattero, Julieta	Laboratorio de Eco-Epidemiología	DEGE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	julietanattero@gmail.com	
Citotoxicidad y genotoxicidad comparadas en dos líneas celulares humanas expuestas al fungicida iprodione	Líneas celulares HEP-2 (larínge) y A549 (pulmón)	Andrioli, Nancy	Laboratorio 46, Grupo de Investigación en Biología Evolutiva	DEGE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	nancyandrioli@gmail.com	
Análisis citogenético entre gorgopos partenogénicos y cepas del parásito reproductivo Wolbachia pipiens	Varias especies de gorgopos de la tribu Naupactini y las cepas de la bacteria Wolbachia pipiens que las infectan. Estas bacterias son parásitos reproductivos, es decir que manipulan la reproducción de sus hospedadores para aumentar su prevalencia. En el caso de la tribu Naupactini, existen fuertes evidencias de la inducción de partenogénesis.	Rodríguez, Marcela	Grupo de Investigación en Fisiografía y Filogenia Molecular	DEGE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	rodriguez@ege.fcen.uba.ar	http://www.ege.fcen.uba.ar/investigacion/grupo-de-investigacion-en-fisiografia-y-filogenias-moleculares-gif/
Revelamiento y análisis de datos sobre efectos producidos por nanopartículas metálicas sobre la división celular en diferentes biomodelos	Datos teóricos y propios obtenidos en sistemas celulares in vivo e in vitro	Andrioli Nancy	Laboratorio 46-Grupo de Investigación en Biología Evolutiva	DEGE-FCEN-UBA	IEGEB	elaboración de meta-análisis a partir de datos publicados	nancyandrioli@gmail.com	
Comunidades de aves en parques urbanos: un análisis en diferentes ciudades bonaerenses	Se realizaron conteos de aves en parques urbanos de seis ciudades de la provincia de Buenos Aires. Es necesario analizar datos de la estructura del hábitat en cada parque a partir de fotos tomadas en los mismos	Leveau, Lucas	Laboratorio 55, ECOMA	DEGE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	luciasleveau@yahoo.com.ar	http://www.ege.fcen.uba.ar/investigacion/ecodis/ds-comunidades-y-macroecologia-ecoma/
Evaluación de señal filogenética en caracteres fenotípicos	Arañas. Árboles filogenéticos y matrices de caracteres. Precisa manejo de R.	Ramírez, Martín	División Aracnología, Museo Argentino de Ciencias Naturales	DEGE-FCEN-UBA		elaboración de meta-análisis a partir de datos publicados	ramirez@macn.gov.ar	https://ites.google.com/site/aracnologiamacn/home
Supervivencia de huevos de Aedes aegypti frente a condiciones térmicas y de humedad estresantes	Aedes aegypti	Fischer, Sylvia	Grupo de Estudio de Mosquitos	DEGE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	syvifischer@gmail.com	http://server.ege.fcen.uba.ar/gem/
Evaluación de la eficiencia de distintos insectos acuáticos como predadores de larvas de mosquitos: Efecto del tamaño del predador y de la presa.	Insectos acuáticos	Fischer, Sylvia	Grupo de Estudio de Mosquitos	DEGE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	syvifischer@gmail.com	http://server.ege.fcen.uba.ar/gem/
Productividad de Aedes aegypti en recipientes domiciliarios no manejados en Buenos Aires	Aedes aegypti (mosquitos)	Fischer, Sylvia	Grupo de Estudio de Mosquitos	DEGE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	syvifischer@gmail.com	http://server.ege.fcen.uba.ar/gem/
Variación en la predisposición a eclosionar de huevos de Aedes aegypti puestos a lo largo del otoño en Buenos Aires.	Aedes aegypti	Fischer, Sylvia	Grupo de Estudio de Mosquitos	DEGE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	syvifischer@gmail.com	http://server.ege.fcen.uba.ar/gem/
Dinámica temporal de los picos de abundancia de Aedes albifasciatus en Buenos Aires.	Aedes albifasciatus (mosquito de inundación)	Fischer, Sylvia	Grupo de Estudio de Mosquitos	DEGE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	syvifischer@gmail.com	http://server.ege.fcen.uba.ar/gem/
Determinantes ecológicos y comportamentales del éxito reproductivo en un ave con cría cooperativa y parasitismo de cría	La especie de estudio es Agelaioides badius, principal hospedador de un ave parásita de cría obligada (Molothrus rufoaxillaris). Se usará una base de datos de 15 años para estimar distintos parámetros de éxito reproductivo y evaluar el efecto de variables ambientales y comportamentales sobre la supervivencia de nidios, la productividad y el crecimiento de los pichones.	De Mársico, María Cecilia	Laboratorio de Ecología y Comportamiento Animal	DEGE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	de_marsico@ege.fcen.uba.ar	http://server.ege.fcen.uba.ar/leyca/index.php/es/

<p>Análisis cuantitativo focalizado en la competencia vectorial y la capacidad para invadir ambientes domésticos en <i>Triatoma sordida</i> a lo largo de su distribución geográfica</p>	<p><i>Triatoma sordida</i> (Hemiptera, Reduviidae, Triatominae) es vector secundario de la enfermedad de Chagas en Argentina, Brasil, Paraguay y Bolivia. Estudios citológicos y morfológicos recientes han propuesto la existencia de una nueva especie críptica para su distribución en Argentina. Además, se postula que <i>T. sordida</i> ocuparía los ambientes domésticos y peridomésticos disponibles luego de la notable reducción en la distribución geográfica de <i>Triatoma infestans</i> tras las acciones sostenidas de control vectorial a lo largo de los años. Esta hipótesis no ha sido comprobada. Se pretende realizar una revisión bibliográfica para conocer si esta propuesta se corresponde con las diferentes características biológicas (por ejemplo su competencia como vector y su capacidad para invadir el ambiente doméstico) que se han reportado en la literatura para <i>T. sordida</i>.</p>	<p>Piccinini, Romina, Carbajal de la Fuente Ana L</p>	<p>Laboratorio de Eco-Epidemiología</p>	<p>DEGE-FCEN-UBA</p>	<p>IEGEB</p>	<p>otro</p>	<p>rowinna@gmail.com</p>	
<p>Melanismo en poblaciones domésticas y peridomésticas de <i>Triatoma infestans</i> (Hemiptera, Reduviidae, Triatominae) y su relación con características dispersivas</p>	<p><i>Triatoma infestans</i> (Hemiptera, Reduviidae, Triatominae) es el principal vector de la enfermedad de Chagas en Argentina. Se describieron morf. melánicos para la especie asociados al ambiente silvestre. Sin embargo, estudios colorimétricos recientes han demostrado que también existe variación en el grado de melanismo en los individuos adultos de esta especie en ambientes domésticos y peridomésticos. Se pretende cuantificar la variación en el color en diferentes poblaciones y si existe alguna relación entre los morfos de color con características dispersivas para esta especie.</p>	<p>Nattero, Julieta y Carbajal de la Fuente, Ana L</p>	<p>Laboratorio de Eco-Epidemiología</p>	<p>DEGE-FCEN-UBA</p>	<p>IEGEB</p>	<p>procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas</p>	<p>julietanattero@gmail.com</p>	
<p>Diversidad de insectos voladores en calles con pastizal dentro de plantaciones forestales ubicadas en la Pampa mesopotámica</p>	<p>Dentro de los predios forestales, las calles de tránsito y cortafuegos forman ambientes lineales desprovistos de árboles, donde la cobertura vegetal típica es similar a un pastizal. Por lo general, corredores anchos y desprovistos de árboles pueden soportar un mayor número de especies de hábitats abiertos. El objetivo propuesto es evaluar el rol de los ambientes lineales asociados a las plantaciones forestales en la conservación de la diversidad de insectos voladores, específicamente en predios forestales que se desarrollan en bioma de pastizal. El trabajo de campo ya se encuentra finalizado. Contamos con datos ambientales para realizar la caracterización de las calles. También colectamos insectos voladores mediante trampas pegajosas (sticky traps). Parte del trabajo de tesis será identificar los insectos colectados (a nivel de orden en principio) utilizando fotografías de alta resolución de las trampas pegajosas. Se valorará que el estudiante esté orientado en Ecología, y haya cursado Invertebrados II (Artrópodos) y Ecología de Comunidades.</p>	<p>Santoandré, Santiago</p>	<p>Grupo de Investigación en Ecología de Comunidades y Macroecología</p>	<p>DEGE-FCEN-UBA</p>	<p>IEGEB</p>	<p>procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas</p>	<p>santoandree@ege.fcen.uba.ar</p>	<p>http://www.ege.fcen.uba.ar/investigacion/ecologia-de-comunidades-y-macroecologia-ecom/</p>
<p>Identificación y caracterización de genes asociados a la tolerancia al frío en una especie templada de <i>Drosophila</i>: un abordaje transcriptómico</p>	<p>Contamos con un set de datos de RNAseq de diferentes tratamientos asociados a la tolerancia a las bajas temperaturas en <i>Drosophila buzzatii</i>. Se plantea realizar estudios de expresión diferencial y determinar in silico los tejidos donde se expresan los genes identificados.</p>	<p>Julián Mensch</p>	<p>Laboratorio de Evolución</p>	<p>DEGE-FCEN-UBA</p>	<p>IEGEB</p>	<p>análisis bioinformático teórico</p>	<p>juliamensch@gmail.com</p>	<p>http://labdeevolucion.blogspot.com/</p>
<p>Genómica evolutiva de genes de detoxificación en el modelo <i>Drosophila</i></p>	<p>Estudio comparativo de genes involucrados en detoxificación de compuestos vegetales en genomas de un grupo de 4 especies de drosófilos cactofílicos</p>	<p>Hasson, Esteban</p>	<p>Evolución</p>	<p>DEGE-FCEN-UBA</p>	<p>IEGEB</p>	<p>análisis bioinformático teórico</p>	<p>estebanhasson@gmail.com</p>	<p>http://labdeevolucion.blogspot.com/</p>
<p>Estudio de la capacidad dispersiva de <i>Triatoma guayanae</i> (Hemiptera, Reduviidae, Triatominae) asociado a cambios morfológicos en las alas y la cabeza</p>	<p><i>Triatoma guayanae</i> (Hemiptera, Reduviidae, Triatominae) es un vector secundario de la Enfermedad de Chagas. La mayoría de las especies de triatomíneos, presentan sus dos pares de alas totalmente desarrolladas. Sin embargo, un fenómeno poco frecuente ha sido reportado en Bolivia, donde existen poblaciones con alas braquipteras (cortas). Estudios recientes mostraron una asociación entre braquipteridad y cambios morfológicos de las cabezas. Se pretende estudiar, para diferentes poblaciones dentro del área de distribución de esta especie (Argentina, Bolivia y Paraguay), cómo es la relación entre la morfometría alar y la variación en otros caracteres, particularmente la cabeza y su posible relación con la capacidad dispersiva que presenta esta especie.</p>	<p>Nattero, Julieta y Carbajal de la Fuente, Ana L</p>	<p>Laboratorio de Eco-Epidemiología</p>	<p>DEGE-FCEN-UBA</p>	<p>IEGEB</p>	<p>procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas</p>	<p>julietanattero@gmail.com</p>	
<p>Reproducción de los adultos de <i>Aedes aegypti</i> a bajas temperaturas</p>	<p>Ecología de <i>Aedes aegypti</i></p>	<p>De Majo, María Sol</p>	<p>Grupo de Estudio de Mosquitos</p>	<p>DEGE-FCEN-UBA</p>	<p>IEGEB</p>	<p>procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas</p>	<p>mademajo@ege.fcen.uba.ar</p>	<p>http://server.ege.fcen.uba.ar/gen/index.html</p>
<p>Efectos retardados de la diapausa sobre el desarrollo de las larvas de <i>Aedes aegypti</i></p>	<p>Mosquito <i>Aedes aegypti</i></p>	<p>De Majo, María Sol</p>	<p>Grupo de Estudio de Mosquitos</p>	<p>DEGE-FCEN-UBA</p>	<p>IEGEB</p>	<p>procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas</p>	<p>mademajo@ege.fcen.uba.ar</p>	<p>http://server.ege.fcen.uba.ar/gen/index.html</p>
<p>Inequidades sanitarias en Argentina: análisis de indicadores de malnutrición en niños, niñas y adolescentes a partir de datos públicos</p>	<p>Marco teórico y Base de datos a utilizar. En edades tempranas las desigualdades a partir de las cuales se evidencia vulnerabilidad socioeconómica y ambiental se expresan a través de indicadores de malnutrición infantil. Muchos países se enfrentan a la carga de malnutrición en todas sus formas, con altas crecientes de obesidad infantil y bajas elevadas de desnutrición y retraso del crecimiento. En particular, la malnutrición por exceso (sobrepeso u obesidad) se asocia a mayores probabilidades de padecer enfermedades crónicas no transmisibles durante la adultez. En este contexto, el indicador de malnutrición de sobrepeso y obesidad resulta relevante de ser monitoreado para analizar este aspecto de la malnutrición infantil. El objetivo de esta tesis es estimar la prevalencia de sobrepeso y obesidad en niños, niñas y adolescentes beneficiarios del Programa SUMAR durante el año 2019 y analizar la relación entre estos indicadores y datos socio-demográficos y ambientales a distintas escalas (individuales, locales, provinciales). Se trabajará con registros antropométricos de la población de beneficiarios del Programa SUMAR que reportaron controles de salud en el año 2019.</p>	<p>Fernández, María Soledad</p>	<p>Grupo de Bioestadística Aplicada (EGE-IC)</p>	<p>DEGE-FCEN-UBA</p>		<p>otro</p>	<p>ifernandez@ege.fcen.uba.ar</p>	<p>http://www.ege.fcen.uba.ar/investigacion/grupo-bioestadistica-egecda/</p>
<p>Búsqueda y caracterización de secuencias de genes asociados al desarrollo y la reproducción en <i>Anastrepha fraterculus</i> en apoyo al desarrollo de estrategias de control genético.</p>	<p><i>Anastrepha fraterculus</i> Wiedemann (Diptera: Tephritidae) es una mosca de la fruta de importancia económica en Argentina y algunos países de América, debido a que infesta una amplia variedad de especies frutales de valor comercial. Actualmente, las medidas de control de esta plaga se basan en tratamientos químicos, siendo necesario el desarrollo de técnicas especie-específicas y amigables con el medio ambiente, como la técnica del insecto estéril (TIE). La escasa información genética y genómica de esta especie dificulta el uso de tecnologías de transformación y edición génica para el desarrollo de líneas de sustrato genético, insumo fundamental para disminuir los costos de producción y maximizar la eficiencia de la aplicación de la TIE contra esta plaga.</p>	<p>Scannapieco, Alejandra / Lanzavecchia, Silvia</p>	<p>Laboratorio de Insectos de Importancia Agronómica, Instituto de Genética gv al IAGIMO</p>	<p>DEGE-FCEN-UBA</p>	<p>INTA-CONICET</p>	<p>procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas</p>	<p>alejandrascannapieco@ege.fcen.uba.ar/scannapieco.a@inta.gov.ar</p>	
<p>Variaciones morfológicas y adaptación al ambiente del molusco invasor <i>Limnoperna fortunei</i></p>	<p>Sobre la base de muestreos de distintas colonias del molusco invasor <i>Limnoperna fortunei</i> realizados en diferentes ambientes de los ríos Paraguay y Uruguay se midieron distintas variables morfológicas con el objetivo de estudiar su variabilidad y la influencia del ambiente en dicha variación.</p>	<p>Paolucci Esteban</p>	<p>Laboratorio 36-37, Hidrobiología</p>	<p>DEGE-FCEN-UBA</p>	<p>IEGEB</p>	<p>procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas</p>	<p>estebanpaolucci@gmail.com</p>	
<p>Efecto de la temperatura y la humedad en la distribución espacial del ectoparásito <i>Phlomis</i> sp. en los ridos de Múscico (<i>Agelaeodes badui</i>)</p>	<p>Una de las especies de estudio es la mosca del género <i>Phlomis</i> sp. que sus larvas son parásitas asociadas a ridos y pichones de aves. Las larvas son hematófagas y se desarrollan subcutáneamente en pichones, realizan un pequeño orificio en la piel del pichón por donde respiran y se alimentan de sus tejidos y sangre. El parasitismo de <i>Phlomis</i> sp. puede tener efectos negativos sobre el crecimiento y la supervivencia de los pichones. La otra especie de estudio es el Múscico (<i>Agelaeodes badui</i>) que es hospedador de <i>Phlomis</i> sp. y tiene un comportamiento único de remoción de larvas de <i>Phlomis</i> sp.</p>	<p>Ursino, Cynthia</p>	<p>Laboratorio de Ecología y Comportamiento Animal</p>	<p>DEGE-FCEN-UBA</p>	<p>IEGEB</p>	<p>procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas</p>	<p>cyrursino@ege.fcen.uba.ar</p>	<p>http://server.ege.fcen.uba.ar/reyca/index.php/res/</p>

Genómica poblacional de Aedes aegypti en Misiones	El objetivo de esta tesis de licenciatura es abordar la genómica poblacional de Aedes aegypti, principal vector de arbovirus de importancia sanitaria en nuestro país mediante la técnica de ddRADSeq. Se cuenta con muestras ya secuenciadas de ejemplares provenientes de dos localidades de la Provincia de Misiones (Colonia Aurora y Elborado) que presentan distintos grados de urbanización. Se buscará determinar la diversidad genética y la estructuración genético poblacional en cada ambiente así como también el grado de conectividad entre ambas poblaciones y la capacidad de dispersión del mosquito. Los resultados obtenidos serán un insumo para el mejoramiento de las estrategias de control vectorial actualmente en curso.	Maffey, Lucía	Grupo de Estudio de Mosquitos	DEGE-FCEN-UBA	IEGEB	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	lucia.maffey@gmail.com	http://nserver.egs.fcen.uba.ar/gen/index.html
Análisis genómico de enfermedades infecciosas	genomas transcritomas y protomas de organismos que causan enfermedades en el humano y en animales en peligro de extinción (parásitos, bacterias, virus)	Kamenetzky Laura	Laboratorio de Genómica y Bioinformática de Patógenos	DFBMC-FCEN-UBA	ET11	elaboración de meta-análisis a partir de datos publicados	luka@fmc.fcen.uba.ar	https://fmpm.conicet.gov.ar/ghis/
Análisis de genomas completos de Dictyostelids, organismos en la frontera de la multicelularidad.	En la rama hermana de donde aparecen Hongos y Animales, (Amoebozoa) se encuentran los Dictyostelids, un grupo de protistas que viven como organismos unicelulares pero que poseen la capacidad de disparar un programa de desarrollo multicelular en respuesta a ciertas condiciones fisiológicas. Dentro de este grupo se han llevado a cabo la secuenciación de los genomas completos de varias especies. El modelo experimental planteado sería el genoma de la especie más estudiada (Dictyostelium discoideum) y se usarían otros genomas (D. purpureum, Tieghestelium lacteum, Polysphondylum violaceum, Heterostelium album PH500, Acytostelium subglobosum_LB1...) en estudios evolutivos.	Velázquez Duarte, Francisco	Desarrollo y Morfogénesis en Dictyostelium discoideum	DFBMC-FCEN-UBA	IB3	análisis bioinformático teórico	fvlazquez.ib3@gmail.com	
Herencia transgeneracional de modificaciones epigenéticas en la cromatina y fenotipos derivados, adquiridos por interacción con el ambiente	Trabajo teórico (teniendo en cuenta el aislamiento social). Análisis de datos publicados referidos a animales y plantas. Propuesta de un diseño experimental para validar o refutar la herencia tipo Lamarckiana en un modelo biológico a elegir por el alumno.	IUSEM, Norberto	Biología y Genética Molecular de plantas	DFBMC-FCEN-UBA	IFIBYNE	otro	norbius@fmc.fcen.uba.ar	http://www.ifbyne.fcen.uba.ar/new
Interacción entre mecanismos de splicing y biogénesis de miRNAs	Azabidospis	Mateos, Julieta Lisa	Genómica Funcional de Plantas	DFBMC-FCEN-UBA	IFIBYNE	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	julietaliamateos@gmail.com	https://www.itsam.mpg.de/4919/grupo-mateos
Consecuencias de las mutaciones somáticas en regiones no codificantes sobre la regulación de la expresión génica en cáncer de mama	Datos públicos de tumores mamarios humanos	Schor, Ignacio	Grupo Schor	DFBMC-FCEN-UBA	IFIBYNE	elaboración de meta-análisis a partir de datos publicados	naschor@gmail.com	http://www.ifbyne.fcen.uba.ar/new/temas-de-investigacion/
Neogénesis de células beta: mecanismos y contribución de células pancreáticas y no-pancreáticas	Raton, rata. Analisis de datos de RNAseq	Rodriguez Segui, Santiago Andres	Regulación genica durante el desarrollo y diferenciación de las células beta pancreáticas	DFBMC-FCEN-UBA	IFIBYNE-UBA-CONICET	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	srodriguez@fmc.fcen.uba.ar	http://www.ifbyne.fcen.uba.ar/new/temas-de-investigacion/
Dinámica de factores de transcripción a través del seguimiento de moléculas únicas	Línea celular de mamíferos. Se propone analizar datos de microscopía ya adquiridos con la técnica de Single-molecule tracking (Presman et al. Methods 2017). Esta técnica permite medir el tiempo de residencia de factores de transcripción sobre la cromatina, a nivel de molécula única. Contamos con datos de diversos factores de transcripción y cofactores. Los mismos se analizan con una rutina escrita en Matlab.	Presman, Diego	Laboratorio de dinámica de factores de transcripción	DFBMC-FCEN-UBA	IFIBYNE	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	presmandm@fmc.fcen.uba.ar	http://www.ifbyne.fcen.uba.ar/new/temas-de-investigacion/
Identificación y análisis in silico de péptidos con potencial actividad antimicrobiana en Amaranitaceae	Plantas de la familia de las Amaranitaceae: quinoa, amaranto, espinaca y remolacha	Zelada Alicia Mercedes	Laboratorio de Agrobiotecnología	DFBMC-FCEN-UBA	IBBEA-UBA-CONICET	análisis bioinformático teórico	azelada.uba@gmail.com	http://ibbea.fcen.uba.ar/investigacion/biotecnologia-y-produccion/agrobiotecnologia-y-virologia-vegetal/
Motivos de RNA reconocidos por el regulador post transcripcional Smaug1	Se emplearán diversas herramientas bioinformáticas para predecir motivos de unión de Smaug (SREs) en mRNAs blanco de esta proteína, ya confirmados experimentalmente en Drosophila y en mamíferos.	Graziela Lidia Boccaccio	Biología Celular del ARN	DFBMC-FCEN-UBA	LELOIR	análisis bioinformático teórico	gboccaccio@eloir.org.ar	
Regulación génica mediada por los factores de transcripción receptor de progesterona y estradiol	Células de endometrio humano normal y de diferentes tipos celulares de cáncer de endometrio. Análisis genómicos de la cromatina y la expresión génica.	Patricia Saragüeta	IBYME-CONICET	DFBMC-FCEN-UBA	IBYME-CONICET	análisis bioinformático teórico	patriciasaragüeta2@gmail.com	
Genómica de especies autóctonas en peligro de extinción	Datos genómicos y estructura 3D del genoma de Jaguar (Panthera onca).	Saragüeta Patricia	IBYME-CONICET	DFBMC-FCEN-UBA	IBYME-CONICET	análisis bioinformático teórico	patriciasaragüeta2@gmail.com	
Identificación de clientes moleculares de la proteína UGGT	bases de datos de proteínas humanas	Modenutti Carlos	Bioinformática de Proteínas	DOB-FCEN-UBA	IQUIBICEN	elaboración de meta-análisis a partir de datos publicados	cmodenutti@qb.fcen.uba.ar	
EFFECTOS BIFÁSICOS EN RESPUESTA TERMOREGULATORIA LUEGO DE EXPOSICIÓN ORAL AGUDA A INSECTICIDAS PIRETRÓIDES TIPO I Y TIPO II EN RATAS ADULTAS JOVENES	Rata; Administración oral de plaguicidas disueltos en aceite (rango de dosis de efectividad baja e intermedia); Uso de tecnología de radiotelemetría para monitorear efectos; 6 mediciones fueron examinados con la misma metodología. Si bien se propone un mismo mecanismo de toxicidad, existen efectos que diferencian 2 subtipos de piretroides.	WOLANSKY MARCELO	LABORATORIA DE TOXICOLOGIA DE MEZCLAS QUIMICAS (LATOMEQ)	DOB-FCEN-UBA	IQUIBICEN	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	mjwolansky@qb.fcen.uba.ar	
Transposones vegetales con memoria transcripcional al estrés que evaden al silenciamiento génico	Tomate	Sanchez, Diego H.	Laboratorio de Fisiología Vegetal	Otro	IFEVA (CONICET-UBA)	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	diegosanchez@agro.uba.ar	https://scholar.google.ch/citations?user=DW-SDMAAAAAAJ&btnG
ARNs regulatorios en el desarrollo de plantas de maíz	El proyecto involucra el análisis de datos obtenidos por NGS a partir de plantas de maíz salvajes y mutantes en un componente de la biogénesis de ARNs pequeños.	Dotto, Marcela	Laboratorio de Biología Evolutiva y Molecular de Plantas (ICAgro-Litoral y FCA, UNL)	Otro	ICAgro-Litoral (Conicet-UNL)	elaboración de meta-análisis a partir de datos publicados	mdotto@fca.unl.edu.ar	bempjlab.wisc.edu/bempj
Participación de la conexina 43 de la glía envolvente olfatoria en la conducta olfativa de ratones	El modelo usado son ratones modificados genéticamente a los que se han eliminado secuencias codificantes para conexina 43 (una proteína formada de uniones neo) de la glía envolvente olfatoria mediante tecnología Cre-LoxP. Los datos (conducta videograbada) ya están colectados y analizados por un primer observador. Tenemos que hacer una segunda cuantificación independiente de la conducta olfativa de los diferentes grupos experimentales (con y sin detección a diferentes tiempos post-delección).	Rela, Lorena	Laboratorio de Formación de Redes Neuronales (Neurociencia de Sistemas)	Otro	IFIBIO	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	lorena.rela@gmail.com	https://fbiio-uba.conicet.gov.ar/aba/rela/
Análisis bioinformático de genomas de pacientes	Bases de datos de perfiles genómicos de pacientes	Yankievich Patricio	Plataforma de Bioinformática del IIBiBA	Otro	IIBiBA	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	pyankievich@ibioba-mpsp-conicet.gov.ar	http://ibioba-mpsp-conicet.gov.ar/index.php/es/bioinformatica/
Impacto de tareas de estimulación cognitiva en la transferencia de aprendizajes	El entrenamiento cognitivo es una buena herramienta para igualar oportunidades pero se desconocen aspectos cruciales de su funcionamiento. El proyecto general de trabajo se basa en el desarrollo de un entorno virtual que permita: 1) estimular aspectos esenciales del aprendizaje durante el desarrollo en la infancia y 2) evaluar su transferencia a contextos más amplios, con pertinencia para la vida cotidiana. Esta línea de investigación conforma un círculo virtuoso entre ciencia básica y ciencia aplicada. Contamos con datos recabados en experimentos previos que no han sido aún procesados ni analizados y que tienen todos los objetivos específicos para realizar la Tesis de Licenciatura.	Goldin, Andrea Paula	Laboratorio de neurociencia, UDTT	Otro	Otro	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	agoldin@gmail.com	ubi.edu/ubneuro
Role de la Neuromodulación Dopaminérgica en aprendizajes y memoria de un contexto novedoso	Drosophila melanogaster	Pagani, Mario Rafael	Genética del aprendizaje	Otro	ifbio-uba	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	calciumsignal@gmail.com	https://fbiio-uba.conicet.gov.ar/aba/pagani/
Similitudes y diferencias en el desarrollo cerebral postnatal entre la rata y el humano	La dificultad para comparar el desarrollo de la rata con el del humano ha generado una controversia que ya lleva más de 100 años. Cada vez queda más claro que no existe el momento ideal del desarrollo donde el cerebro de la rata queda equiparado al del ser humano (ver Bridgette D. Semples,2013).	Vazquez Pablo	el laboratorio de Neuropatología Experimental	Otro	IBCN	elaboración de meta-análisis a partir de datos publicados	pev_2000@yahoo.com	http://www.ibcn.fmed.uba.ar/200_grupo-lab-neuropatologia-ibcn.html
Trans-silenciamiento de retrotransposones vegetales mediado por pararetrovirus endógenizados	Tomate	Sanchez, Diego H.	Fisiología Vegetal	Otro	IFEVA (CONICET-UBA)	elaboración de meta-análisis a partir de datos publicados	diegosanchez@agro.uba.ar	https://scholar.google.ch/citations?user=DW-SDMAAAAAAJ&btnG
Ecología de la transmisión de dengue	Estudiar la dinámica espacio-temporal de la transmisión de dengue a partir de datos de casos de dengue provenientes del sistema de salud en la Ciudad de Buenos Aires y/o Argentina. Se conjugarán abordajes ecológicos, epidemiológicos y análisis estadísticos (análisis espacio-temporales, modelos bayesianos). Posibilidad de elaboración de modelos matemáticos y herramientas de análisis cuantitativo para guiar intervenciones de control y políticas de salud pública.	Gurevitz, Juan Manuel	Grupo de Ecología Cuantitativa	Otro	INBIOMA	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	ingurevitz@yahoo.com.ar	

Análisis de la organización de la cromatina en Trypanosomátidos	Los Trypanosomátidos son organismos eucariotas que se diferenciaron tempranamente en la evolución y muchos de los aspectos de la organización de su cromatina y regulación de la expresión génica se diferencia marcadamente de otros organismos eucariotas haciendo que su estudio requiera un análisis particular.	Josefina Ocampo	Estructura y función de la cromatina	Otro	INGEBI	análisis bioinformático teórico	jocampo@dna.uba.ar	http://ingebi-conicet.gov.ar/area_estructura-y-funcion-de-la-cromatina/
Efecto del envejecimiento sobre la memoria semántica	Humanos	Kaczer Laura	Laboratorio de Neurociencias de la Memoria	Otro	IFIBYNE	elaboración de meta-análisis a partir de datos publicados	laurakaczer@gmail.com	https://labneurociencias.wiisite.com/
Variantes genéticas del Sistema Metabolizante y de transporte de drogas en el desencadenamiento de las Porfirias hepáticas	Material genético de pacientes con Porfiria e individuos controles	Buzaleh, Ana María	Centro de Investigaciones sobre Porfirinas y Porfirias (CIPYP) - UBA-CONICET - Hospital de Clínicas	Otro	CIPYP	elaboración de meta-análisis a partir de datos publicados	anamaria@qb.fcen.uba.ar, anabuzaz@hotmail.com	https://sites.google.com/site/cipypconicet/
Análisis de secuencia de genes involucrados en la detección del hospedador en el parasitismo de moscas de la fruta, <i>Diachasmimorpha longicaudata</i>	<i>Diachasmimorpha longicaudata</i> (Hymenoptera: Braconidae) es un parasitismo de moscas de la fruta de la familia Taphridae, ampliamente utilizado en diversos países como agente de control biológico (CB). En nuestro país se encuentra en desarrollo el uso de este parasitismo en conjunto con medidas de manejo integrado de plagas (MIP) principalmente para el control de dos moscas de importancia económica: <i>Ceratitis capitata</i> y <i>Anastrepha fraterculus</i> . La incorporación del CB a las estrategias de MIP permitirá maximizar la eficiencia en el control de estas especies plaga. En línea con estos desarrollos, es fundamental profundizar los estudios genéticos como herramienta para mejorar la producción masiva del parasitismo en las biofábricas y/o aumentar su eficiencia a campo.	Lanzavecchia Silvia/ Wuff Juan Pedro	Laboratorio de Insectos de Importancia Agronómica	Otro	IGEAF gv al IABIMO, INTA CONICET	procesamiento y análisis de datos ya obtenidos en exp o campañas previas	lanzavecchia.silvia@inta.gov.ar	